

Modélisation de la dynamique de population du poisson zèbre pour l'évaluation du risque écotoxicologique



R. Beaudouin



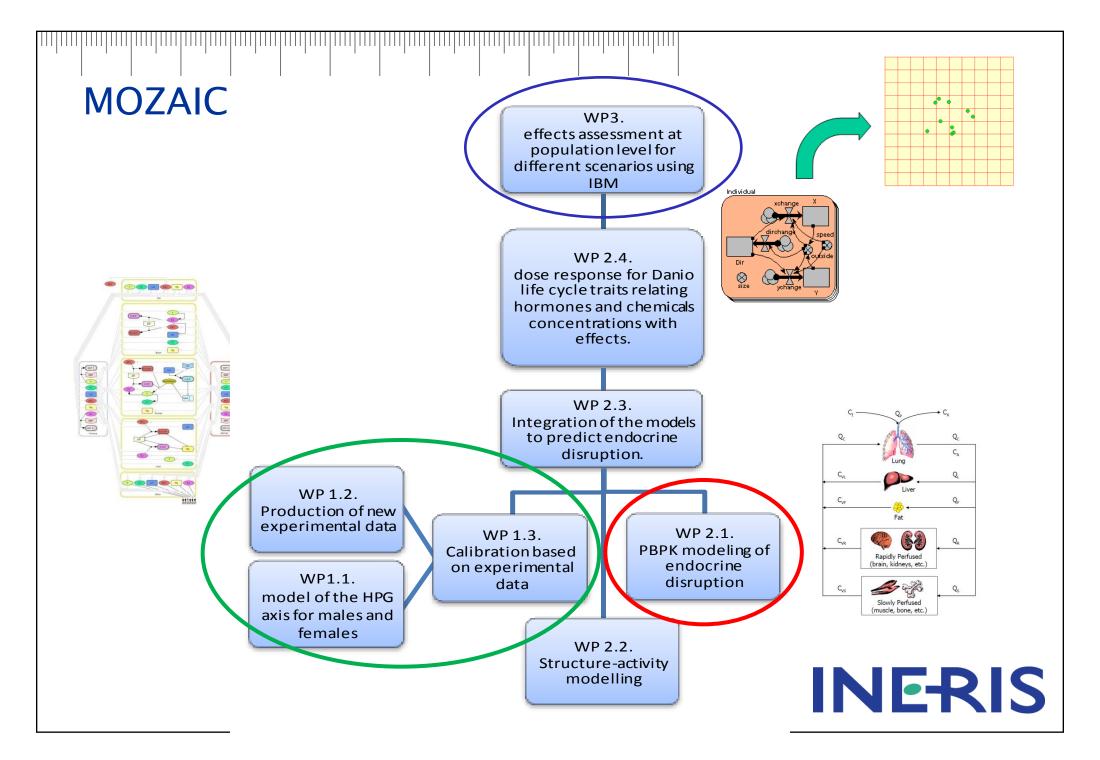
maîtriser le risque pour un développement durable

Integrated Modelling of endocrine disruption in zebrafish at different biological levels (MOZAIC - PNRPE APR 2010)

- Un grand nombre de preuves et d'observations des effets des perturbateurs du système endocrinien au niveau de l'individu (laboratoire et/ou terrain)
- Les effets de ces molécules sur les populations :
 - Etudes expérimentales relativement rares
 - Travaux de modélisation visant à les prédire relativement rares

- Une nécessité pour affiner l'évaluation du risque :
 - Extrapoler au-delà des standards expérimentaux
 - Projeter à l'échelle de la population et quantifier.





MOZAIC

Prédire par simulation les effets de perturbateurs endocriniens sur les populations à partir des effets observés sur les organismes et niveaux inférieurs

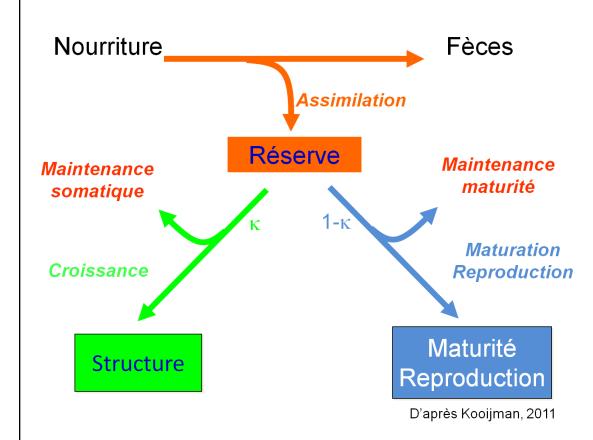
Stratégie

Changement d'échelle par une combinaison d'un modèle à fondement bioénergétique de l'individu et d'un modèle de dynamique de population

- (i) Modéliser les grandes fonctions biologiques des organismes en se basant sur des flux d'énergie: modèle DEB
- (ii) Construire un modèle de dynamique de population basé sur le modèle DEB
- (iii) Analyser le modèle : analyse de sensibilité, comparaison aux données observées, comportement dans des cas limites.
- (iv) Prédire les impacts de deux molécules (clotrimazole et éthynil-oestradiol) sur des populations



Modèle « Dynamic Energy Budget »



$$s_f(l) = \alpha \left[1 - \left(1 + \frac{l_f^3}{l^3} \right)^{-1} \right]$$

$$\frac{de}{dt} = \frac{k_M g}{l} \left[(1 - s_f) f - e \right]$$

$$\frac{dl}{dt} = r_B(e-l)$$
 with $r_B = \frac{k_M g}{3(e+g)}$

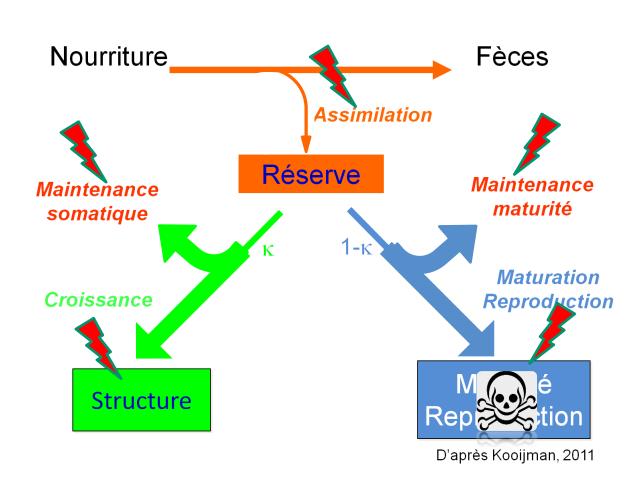
$$\frac{dR}{dt} = \frac{R_M}{1 - l_p^3} \left(\frac{g + l}{g + e} e l^2 - l_p^3 \right)$$



Modèle « Dynamic Energy Budget »

Cinq modes d'action

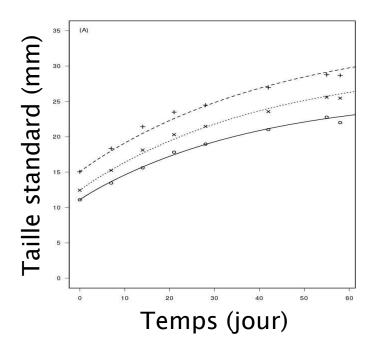
- Diminution assimilation
- Augmentation maintenance
- Augmentation coûts croissance
- Augmentation coûts création œufs
- Mortalité durant ovogénèse

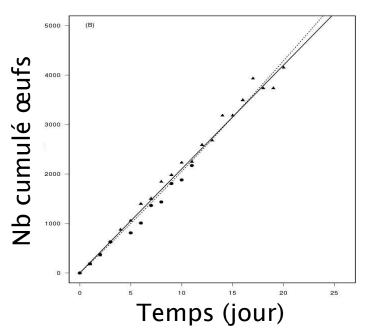




Modèle DEB : ajustement aux données

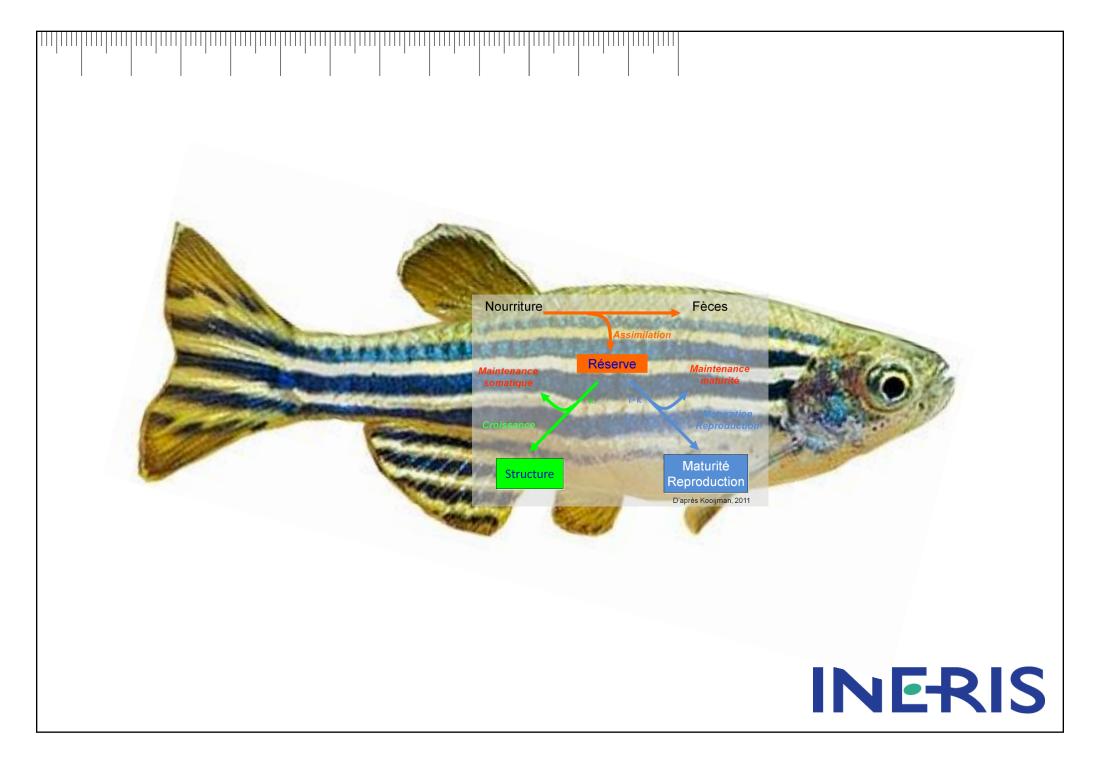
- Ajustement aux données par inférence bayésienne (GNU McSim software)
- 1 jeu de données produit à l'INERIS : taille et reproduction ~ f(température et nourriture)
- 11 jeux de données littérature : taille ~ f(température et nourriture)



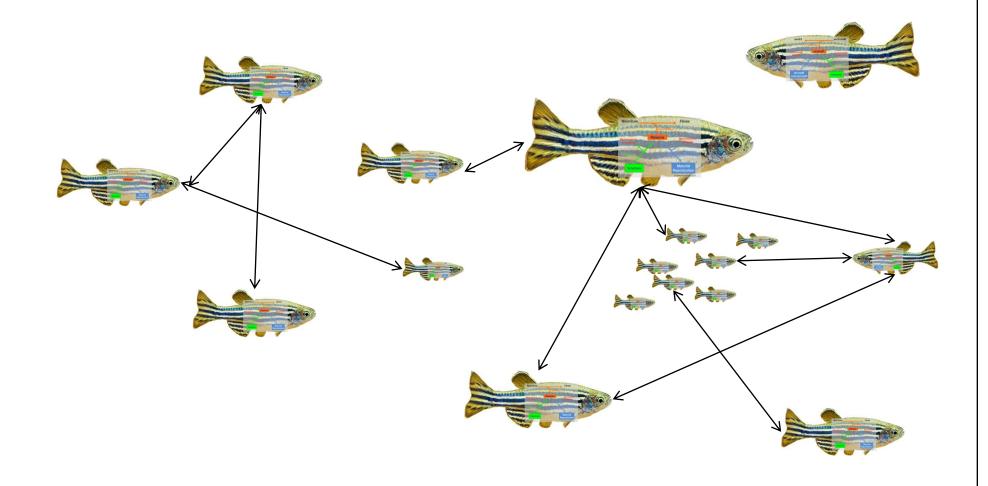




Ajustement des données par inférence bayésienne (GNU MCSim software) standard (mm) Temps (jour) **INERIS**



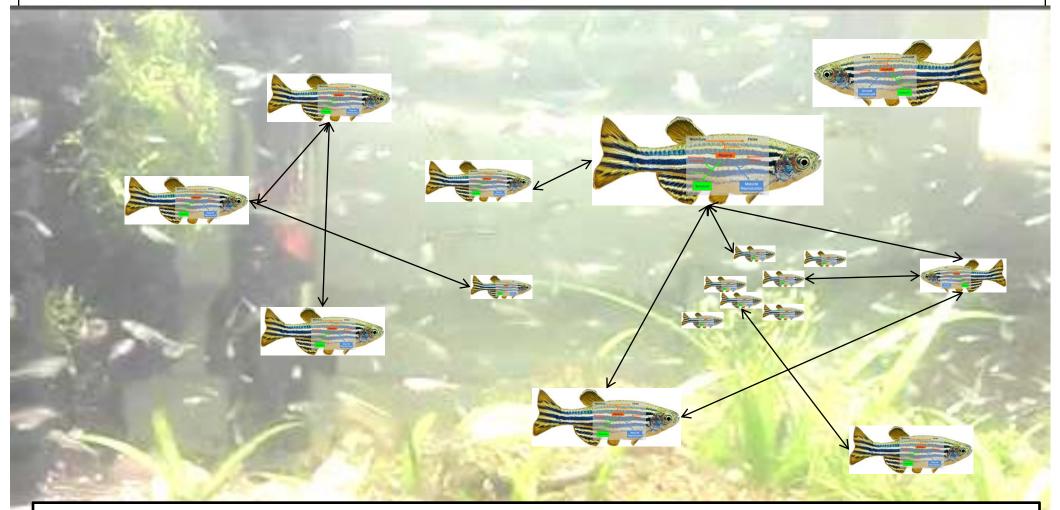
Modèle individu-centrée de la dynamique de population



INE-RIS



Modèle individu-centré de la dynamique de population



- Objet modélisé : individu
- Population : ensemble d'individus uniques interagissant entre eux et avec leur milieu

IBM zebrafish : environnement de la population étudiée ?

- ⇒ Habitat bien adapté au zebrafish
- → Zone géographique naturelle
 - Nord-est de l'Inde, Bangladesh et Népal
 - Climat tropical de mousson : chaud toute l'année (20° à 40°), avec une longue saison de pluies diluviennes en été.
 - Mare, eau faible courant

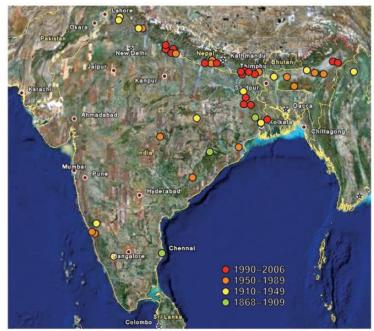


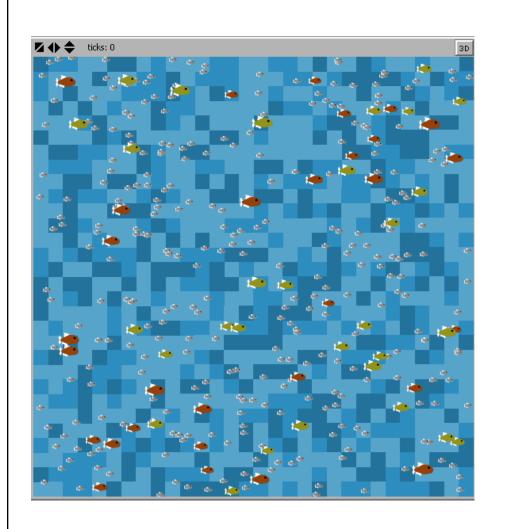
FIG. 1. Historical collections of zebrafish in India and neighboring countries since 1868.







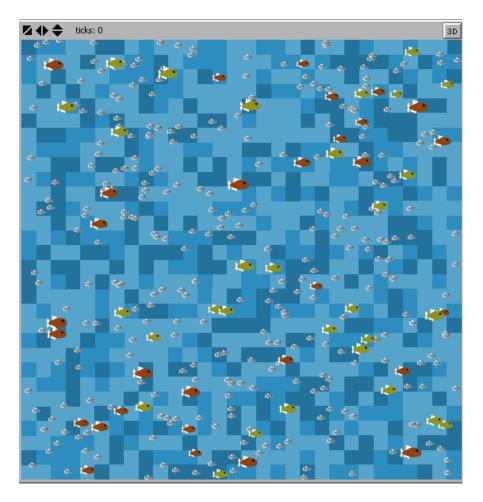
IBM zebrafish: l'espace (Hazlerigg et al., 2014)

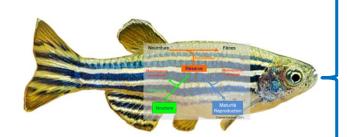


- Mare théorique de 36 m², profondeur de 0.5 m
- Grille en 2 dimensions de 900 cellules : 30 × 30
 ♣ 20 × 20 cm ≈ un territoire pour un couple
- 207 cellules : aire de reproduction.
- 207 cellules : aire avec un fort couvert végétal
- les autres : eau libre (pas de caractéristiques)



IBM zebrafish : les individus





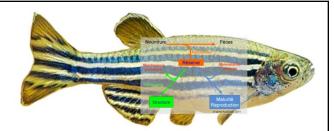
- Œufs/larves
- Juvéniles
- Femelles
- Mâles

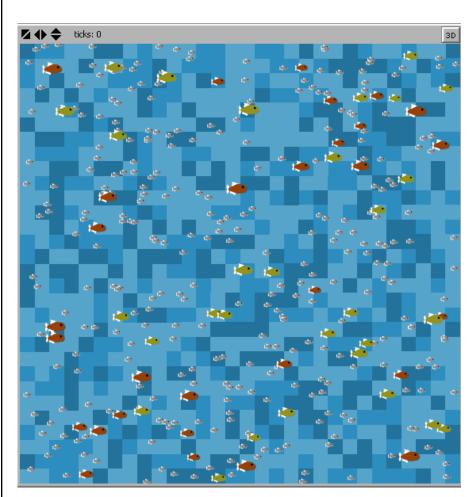
- ⇒ Déplacement

 - Mâles → cellule reproduction / aléatoire
 - ♥ Femelles → cellule reproduction / aléatoire
- ⇒ Survie journalière (tirage binomial)
 - ♥ Dépendante de la masse
 - Dépendante de la densité pour les œufs/larves



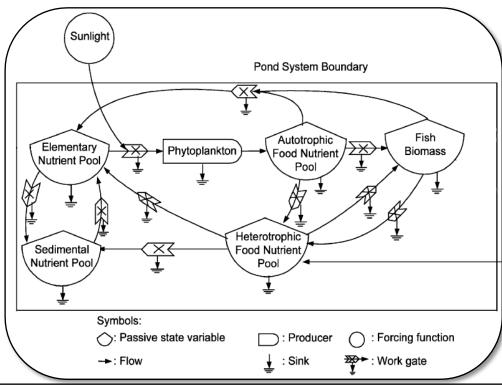
IBM zebrafish : la dynamique de la nourriture



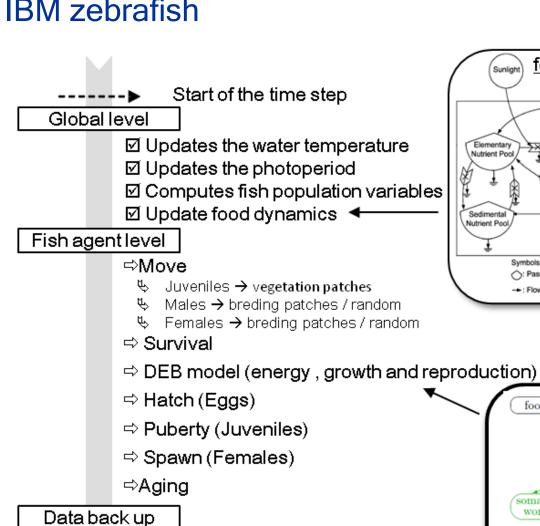


Modèle de Li and Yakupitiyage (2003)

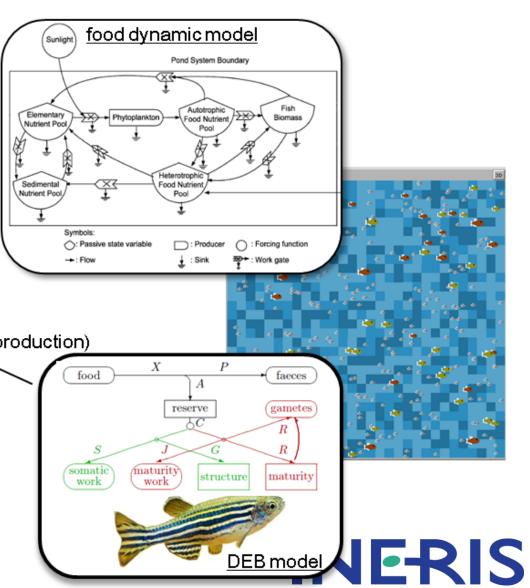
- Dynamique des nutriments et de la nourriture dans une mare de culture semi-intensive de poissons (Tilapia)
- Calibré et comparé à des données expérimentales







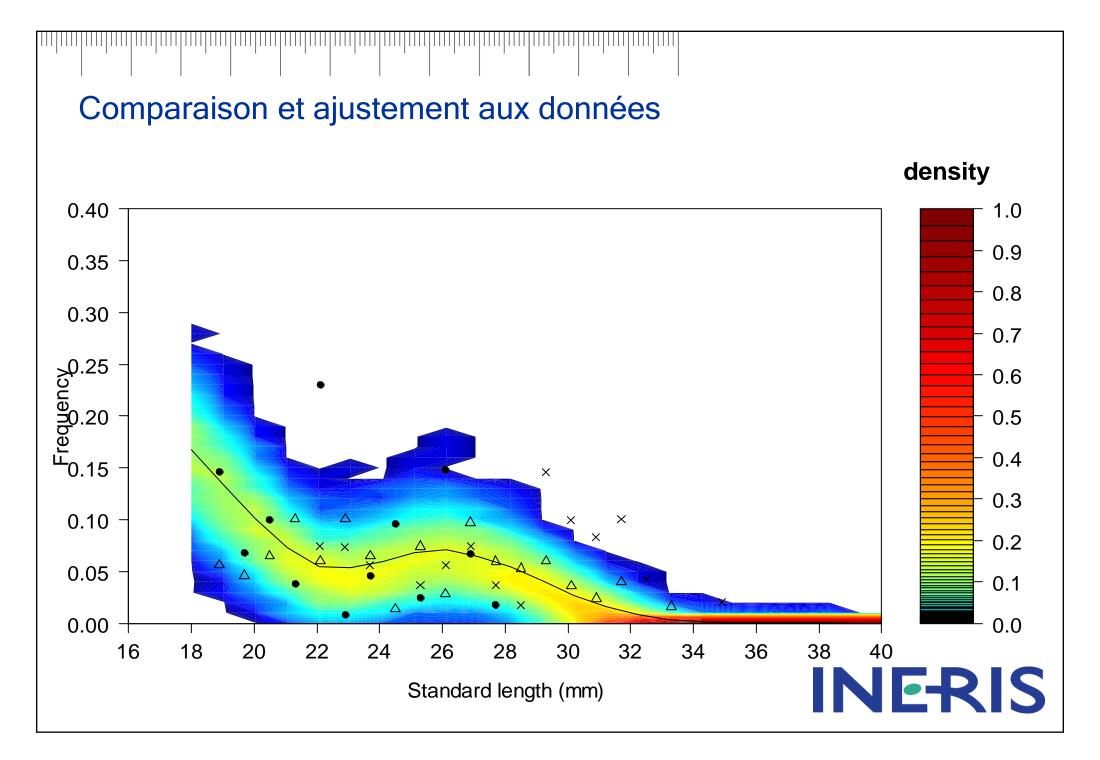
End of the time step

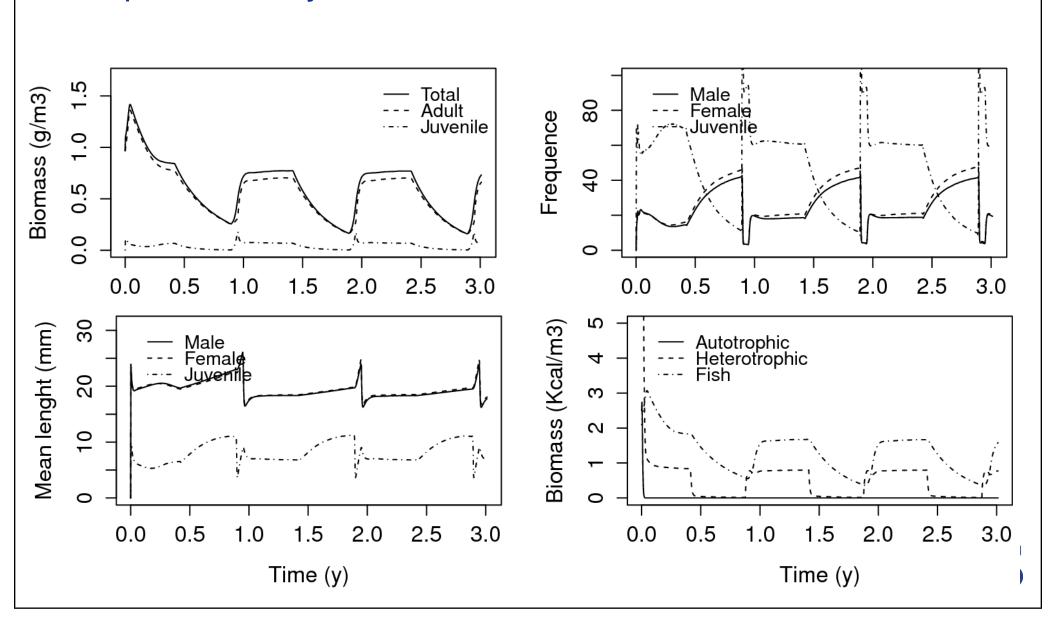


Hazlerigg et al $(2014) \rightarrow$ observation de populations naturelles

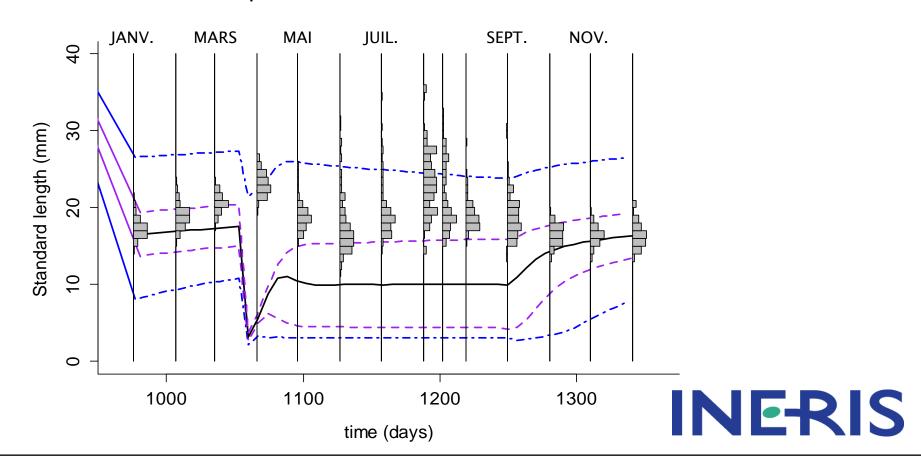
- Effectif population observée : 300 juvéniles, 35 mâles et 35 femelles
- 207 sites favorables à la reproduction dans une mare de 36m² (20 cm²)
- Echantillonnage de 3 populations sauvages au Bangladesh
- 482 poissons capturés > 18 mm (160.7 poissons par population ?)
- Capture à l'épuisette : inefficace pour les petits individus
- Mesure de la taille des poissons
- Comparaison des prédictions du modèle à 3 ans au mois de Mai
- Ajustement de 2 paramètres de survie, et un paramètre « apport nourriture »
 - Ecarts au carré distribution observée et prédite
 - Algorithme génétique (BehaviorSearch / Netlogo)
 - taux de mutation : 0.01
 - taille population : 50
 - taux de crossover : 0.7
 - tournament-size : 3

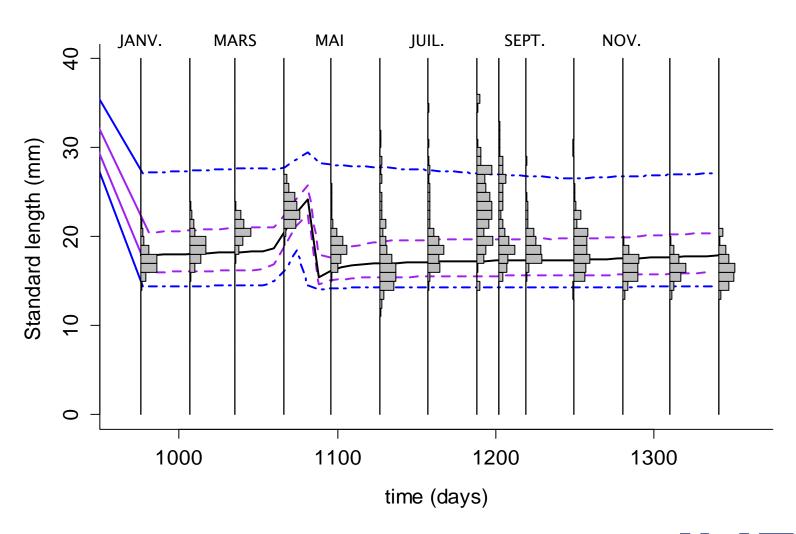






- Spence et al. (2007)
 - Au maximum 120 poissons capturés tous les mois dans une même population
 - Capture à l'épuisette
 - Mesure de la taille des poissons

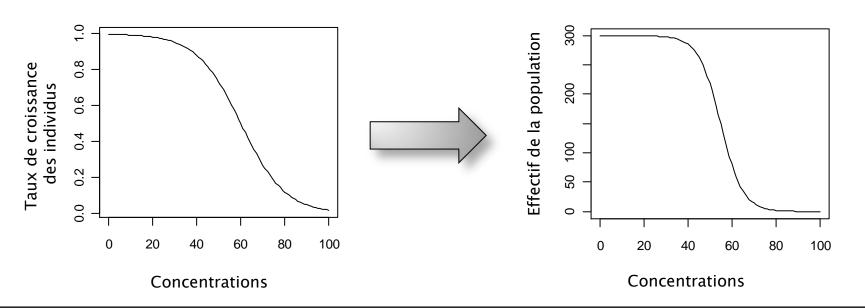






Estimer des concentrations sans effet au niveau de la population

- ⇒ Intégrer sous forme de relations dose-réponse les effets de molécules pour prédire les conséquences au niveau de la population
 - Effet sur les flux d'énergie (croissance, reproduction)
 - Effet sur la survie, sur le comportement
 -
- ⇒ Evaluer les paramètres des individus qui ont le plus d'influence sur les variables des populations (analyse de sensibilité)
- ⇒ Etablir des doses-réponses au niveau de la population par simulation



Conclusions

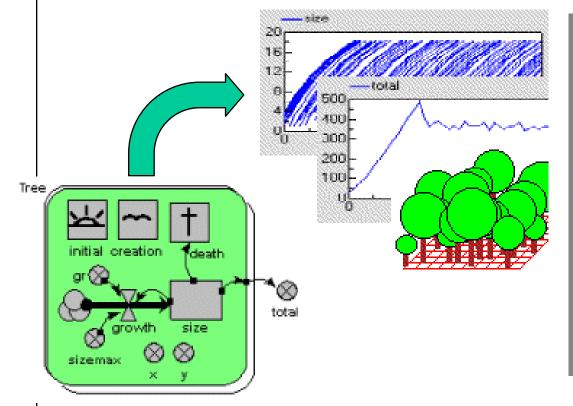
- Simulations semblent conformes aux observations en absence de contamination : bonne crédibilité du modèle en absence de contaminations
- Analyse de sensibilité du modèle : compréhension du modèle et aide à l'analyse toxicologique
- Quelles méthodes utilisées pour l'analyse de sensibilité ?
 - ⇒ 10 s par simulation, modèle stochastique
 - → Morris avec les moyennes et CVs des sorties de 30 simulations ?
- Quelles sorties à quels temps ? La sortie la plus informative → distribution de taille au cours du temps ...
 - Analyse de sensibilité, ajustement prédiction/observation et comparaison statistique pour ce type de sortie



INIEDIC
INERIS

Modélisation individu-centrée

- Objet modélisé : individu
- Population : ensemble d'individus uniques interagissant entre eux et avec leur milieu



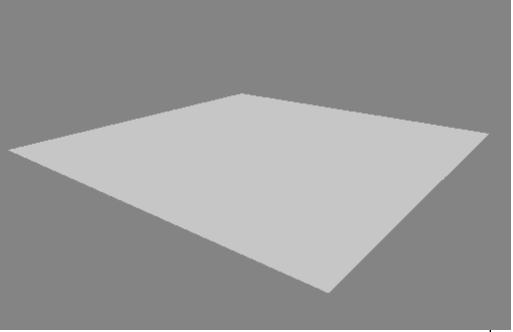


Schéma: simulistics.com

R.Beaudouin - METO - INERIS

"A scalable simulator for forest dynamics,"
S. Govindarajan, M. Dietze, P.K. Agarwal, John Clark. accepted to Symposium of Computational Geometry 2004.

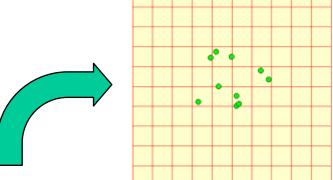
Modélisation individu-centrée

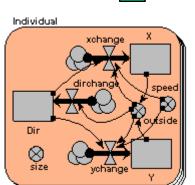


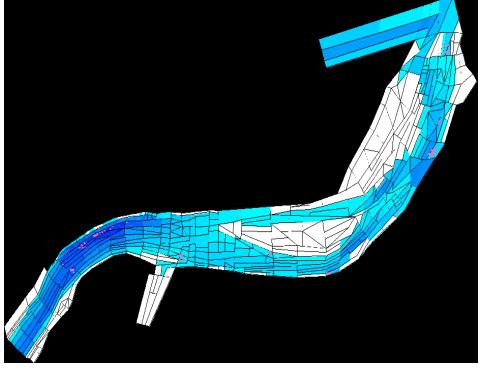
Objet modélisé : individu

Population : ensemble d'individus uniques interagissant entre eux et avec leur

milieu







Steve Railsback. inSTREAM individual-based trout model.

Two-dimensional hydraulic simulation. Habitat cells are shaded by water depth (alternatively, by velocity); pink dots indicate juvenile fish, and rectangles indicate adult trout.